

Imię Nazwisko
nr indeksu
wydział

Cel ćwiczenia:...

Dla każdego wylosowanego białka:

ID z PDB (liczba łańcuchów w pliku)

-jeśli jest więcej niż jeden łańcuch tego samego rodzaju proszę podać jakie i dlaczego te łańcuchy będą analizowane

-jeśli jest kilka różnych łańcuchów proszę je wypisać

1. struktura I-rzędowa

- na podstawie UniProt'a podać różnice między sekwencją w pliku z PDB a pełną sekwencją aminokwasową oraz modyfikacje potranslacyjne i mutacje

2. struktura II-rzędowa

-helisy (liczba, rodzaj i zakres aminokwasów)

-beta kartki (liczba i z ilu beta nici się składają - najlepiej opisywać je po kolorach wybranych do rysunków)- rysunki tylko beta kartek (jeśli nić należy do 2 beta kartek należy to zaznaczyć i w tekście i na rysunku)

3. struktura nad-II-rzędowa

-wymienić motywy i ich liczbę - do każdego motywu rysunek

4. struktura III-rzędowa

-z ilu domen składa się analizowany łańcuch (jeśli więcej niż z jednej - rysunek)

-opisać fold domen- rysunek jeśli nie widać tego na wcześniejszym rysunku, lub jeśli go nie było

5. struktura IV-rzędowa

-uzasadnić odpowiedź na pytanie: czy istnieje dla tego pliku struktura IV-rzędowa

- jeśli tak podać oddziaływania pomiędzy łańcuchami opis wg tabeli poniżej

łańcuch A	łańcuch B	rodzaj oddziaływania
Tyr 250	Phe 190	VdW
		jonowe
		wodorowe